

Une nouvelle technologie de diagnostic précoce et de suivi du cancer

Soutenue par la SATT AxLR



Une équipe pluridisciplinaire

Alexandre David, expert en **épitranscriptome** (chimie de l'ARN) et **biologie du cancer**, à l'Institut de Recherche en Cancérologie de Montpellier (IRCM).



Eric Rivals, spécialisé en **algorithmique** et **bio-informatique** au LIRMM.



Christophe Hirtz, expert en **spectrométrie de masse** et responsable de la plateforme de protéomique clinique de Montpellier (PPC).

Partenaires du projet :





Une solution innovante

Une solution de diagnostic précoce et de suivi du cancer à partir d'un prélèvement d'une seule goutte de sang.



Les objectifs de la technologie :

Diagnostic précoce

Simplicité et praticité de la méthode

Un diagnostic grâce au code chimique de l'ARN

De nombreuses approches de diagnostic du cancer par prélèvement sanguin se basent sur l'analyse du **code génétique** contenu dans l'ADN ou l'ARN circulant.

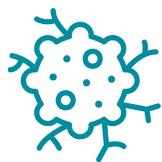
Alexandre et son équipe se focalisent, eux, sur le **code chimique** contenu dans l'ARN circulant, peu visible avec les méthodes de séquençage classiques.

Comment ? Grâce à une méthode d'analyse appelée **spectrométrie de masse**.



"Code-barres" cellulaire

Ce code chimique permet aux cliniciens de :



Stratifier les types de cancers



Analyser l'évolution du cancer

Le spectromètre de masse, késako ? Le spectromètre de masse est un instrument d'analyse qui identifie et quantifie les masses moléculaires des composés analysés.